

EVALUACIÓN DEL RENDIMIENTO Y SUS COMPONENTES EN FAMILIAS RC₁F₄ DEL CRUCE ENTRE LA VARIEDAD D-Sativa Y *Oryza rufipogon* Griff., CICLO SECANO

(Evaluation yield and its components of families RC₁F₄ backcross between variety D-Sativa and *Oryza rufipogon* Griff., rainfed planting cycle)

Angulo-Graterol, L.¹, Ramis, C.¹, Figueroa-Ruiz, R.¹, Graterol, E.², Hernández, Y.³, Rondón, C.³, De Faria, Y.¹ y Bedoya, A.⁴. ¹Facultad de Agronomía, Universidad Central de Venezuela, Maracay-Aragua. ²Fundación para el Desarrollo Agrícola DANAC, San Javier-Yaracuy. ³Instituto Pedagógico Rural “El Mácaro”, Turmero-Aragua. ⁴Departamento de Biología Pedagógico Rafael A. Escobar L., Maracay-Aragua.

En el mejoramiento del arroz cultivado, se han empleado especies silvestres del género *Oryza* para la transferencia de regiones del genoma, de gran importancia agronómica, a las especies cultivadas, para incrementar la base genética y la obtención de las nuevas variedades de arroz comercial mejoradas genéticamente. Estudios previos han demostrado que *Oryza rufipogon*, posee regiones del genoma con alelos favorables para rendimiento, no presentes en el arroz cultivado. El objetivo de este estudio fue evaluar el rendimiento y sus componentes en 47 familias RC₁F₄ del cruce entre D-Sativa y *O. rufipogon* G. y cuatro testigos (Cimarrón, D-*Oryza*, D-Sativa y Fedearroz-50). El ensayo se realizó en el Campo Experimental del Instituto Pedagógico Rural “El Mácaro”, Municipio Santiago Mariño - Estado Aragua, durante el ciclo Secano (Mayo – Octubre, 2010), en parcelas de dos hileras de 25 plantas, bajo un diseño de bloques completos al azar (DBA) con tres repeticiones. Las variables evaluadas fueron: Altura de planta (Hp); longitud de la panícula (LP); número de panículas (NP); número de espiguillas (NE); número de granos llenos (NGLI); porcentaje de fertilidad de la panícula (%FP); peso de 1.000 granos (PG); producción de granos por planta (GP) y rendimiento ajustado al 12% de humedad. Los resultados del análisis de la varianza y pruebas de comparación entre medias detectaron diferencias estadísticas entre las familias RC₁F₄ (4, 9, 12, 13, 20, 21, 23, 24, 26, 30, 40, 41 y 43) superiores a los mejores testigos (D-*Oryza* y D-Sativa) en: Hp (17,49%), NE (1,5%), PG (5,68%), GP (10,26%) y R (8,97%), y altamente significativas para LP (14,27%). Esto comprueba las ventajas de *O. rufipogon* en un programa dirigido de retrocruza con la variedad comercial D-Sativa, para la incorporación de nuevos alelos, en el desarrollo de genotipos de arroz, con el fin de incrementar la variabilidad genética del arroz y algunos componentes del rendimiento.

Palabras claves: Arroz, Componentes de Rendimiento, *Oryza rufipogon* Griff.