

EVALUACIÓN AGRONÓMICA DE 18 CULTIVARES DE SOYA (*Glycine max* L.) EN DOS LOCALIDADES EN VENEZUELA. (Agronomic evaluation of eighteen soybean cultivars in two locations in Venezuela)

Perdomo, R., Salazar, J., Puro, F., Alezones J. Fundación para la Investigación Agrícola Danac, San Felipe, Edo. Yaracuy, Apdo. 182. E-mail: rosaura.perdomo@danac.org.ve

Por su utilización para el consumo humano y la alimentación animal, la soya es un cultivo de gran importancia económica. En Venezuela, la producción es insuficiente para satisfacer la demanda. Se requiere ofrecer cultivares mejorados que amplíen la oferta tecnológica a los agricultores y con ello contribuir al aumento de la producción nacional. La identificación de los cultivares más promisorios para las condiciones agroecológicas del país, permite identificar nuevas variedades así como progenitores adecuados para el diseño de cruzamientos. El objetivo del presente trabajo fue evaluar 18 materiales de soya en dos localidades para la identificación de posibles progenitores para el programa de mejoramiento genético de Fundación Danac. Los materiales fueron evaluados en Valle de la Pascua, estado Guárico y en San Javier, estado Yaracuy durante el año 2010, bajo un diseño experimental de bloques al azar con tres repeticiones. Los testigos fueron variedades comerciales utilizadas por los agricultores en Venezuela. Se evaluaron características como: rendimiento en grano (Kg/ha), días hasta el 50% de floración masiva, altura de la planta, altura hasta la primera vaina, número de vainas por plantas, peso de semillas por plantas y número de plantas acamadas. Los cultivares mostraron diferencias altamente significativas ($P < 0,05$) para rendimiento en grano, con un promedio de 1572,72 Kg/ha con $CV = 20,0\%$. El cultivar CB-1088SC mostró el mayor rendimiento con 2003,71Kg/ha superando en 12,5% al mejor testigo comercial (Tracajas). Para el resto de las características evaluadas también se encontró diferencias altamente significativas entre cultivares. Los resultados obtenidos son de gran utilidad para el programa de mejoramiento genético, permitiendo la planificación de cruzamientos a través de combinaciones útiles que puedan generar genotipos superiores.

Palabras claves: cruzamientos, selección.